

®
(DEMOPENEM®)

1 :
: meropenem;
500 1000 ;

J01D H02.

(PBP).

() (>),

40 %

PBP,

(EUCAST)

	(S), (/)	(R), (/)
<i>Enterobacteriaceae</i>	2	> 8
<i>Pseudomonas</i>	2	> 8
<i>Acinetobacter</i>	2	> 8
<i>Streptococcus</i> , , , C, G	6	6
<i>Streptococcus pneumoniae</i> ¹	2	> 2
2	2	> 2
<i>Enterococcus</i>	-	-
<i>Staphylococcus</i>	3	3
<i>Haemophilus influenzae</i> ^{1,2} <i>raxella catarrhalis</i> ²	2	> 2
<i>Neisseria meningitidis</i> ^{2,4}	0,25	> 0,25
<i>Clostridium difficile</i>	2	> 8
	2	> 8
<i>Listeria monocytogenes</i>	0,25	> 0,25
	2	> 8
5		

1 *Streptococcus pneumoniae* *Haemophilus influenzae* 0,25/ / () 1 / ().

2 S/R,

3

4

5

EUCAST

1000 3

30

2 3

6

A, B, C G

«-»

_____ : *Enterococcus faecalis*⁷, *Staphylococcus aureus* (_____)⁸, *Staphylococcus species* (_____),
Staphylococcus epidermidis, *Streptococcus agalactiae* (_____), *Streptococcus milleri* (*S. anginosus*, *S. constellatus*, *S. intermedius*), *Streptococcus pneumoniae*, *Streptococcus pyogenes* (_____).

_____ : *Citrobacter freundii*, *Citrobacter koseri*, *Enterobacter aerogenes*, *Enterobacter cloacae*, *Escherichia coli*, *Haemophilus influenzae*, *Klebsiella oxytoca*, *Klebsiella pneumoniae*, *Morganella morganii*, *Neisseria meningitidis*, *Proteus mirabilis*, *Proteus vulgaris*, *Serratia marcescens*.

_____ : *Clostridium perfringens*, *Peptoniphilus asaccharolyticus*, *Peptostreptococcus species* (_____ *P. micros*, *P. anaerobius*, *P. magnus*).

_____ : *Bacteroides caccae*, *Bacteroides fragilis*, *Prevotella bivia*, *Prevotella disiens*.

_____ : *Enterococcus faecium*^{7,9}.

_____ : *Acinetobacter species*, *Burkholderia cepacia*, *Pseudomonas aeruginosa*.

_____ : *Stenotrophomonas maltophilia*, *Legionella species*.

_____ : *Chlamydophila pneumoniae*, *Chlamydophila psittaci*, *Coxiella burnetii*, *Mycoplasma pneumoniae*.

7

8

9

>50 %

B. mallei *B. pseudomallei* in vitro

(t_{1/2})

1

0,25 / (11-27) ;

287 /

250 ,

205 /

2 .

500, 1000 2000 ,

30 ,

(C_{max})

23, 49 115 / ;

« - » (AUC) 39,3, 62,3 153 × / .

5 C_{max}

52 112 /

500 1000

8

1000

8

C_{max} t_{1/2},

(27) .

2 %

(5)

30-

in vitro

- (-)

12 . 28 %

70 % (50-75 %)

2 %

AUC 2,4

(4-23 /) 10 -
AUC

AUC

(

t_{1/2}

() 33-74 /), 5 -
(<2 /)

(>80

4

t_{1/2}=1,6).
4,3 / / (2-5).

t_{1/2}

60 %

5,8 / / (6-12), 6,2 / / (2-5), 5,3 / / (6-23)

12 % -

20 %

t_{1/2} 2,9

20 / 8

T > MIC 60 %

P. aeruginosa 95 %

91 %

(65-80)

C_{max}

(<6 - t₁

3 :

-
-
-
-
-
-
-

(, (,) . ,) - -

60-100 % 2 .

Enterobacteriaceae, Pseudomonas aeruginosa Acinetobacter

Enterobacteriaceae, Pseudomonas aeruginosa Acinetobacter

(DRESS-

(« »).

Clostridium difficile.

(« »).

()

()

(« »)

»).

® 46

500 92

1000

® 2 3
Pseudomonas aeruginosa, Acinetobacter),

50

40 / 3
 (, *Enterobacteriaceae*,
 (.)).

2

50

	8
,	500 1
	2
	500 1
	500 1
	500 1
,	500 1
	2
	1

®

15 30

1
 2

5

50 ,

51 /

(/)	(. 2)	
26-50		12
10-25		12
< 10		24

> 50 /

3

3

20 /

8

(. «

»).

3

11

50

	8
,	10 / 20 /
	40 /
	10 / 20 /
	10 / 20 /
,	10 / 20 /
	40 /
	20 /

50

®

15 30

5

20 /
40 /

® 3 50 / .
(15-25).

() 1-20 / .
2 (15-25) 24

® 0,9 % 5 %
0,9 % 6
2-8 . , ,

5 % () ® 1 .

3 .

< 1/100); (1/10000 < 1/1000); (< 1/10000); : (1/10); (1/100 < 1/10); (1/1000

: - : - ; - , , , , .

(DRESS-

1

.4

25°

0,9 %

5 %

21- , , 14568, .