

**(ESORMA)**

1 : ; 40 ;

A02B C05.

S- . R-, S-

5 20 40 4 13 17  
24- ( )

« - » (AUC)

6 21 11-13 80 30 8 / 23,5 24- 4

40 78 % 4 ,93 % - 8

(n=389). (9 %, 43 %, 38 % 10 % ) (n=375), 30

8 / , 72 80 72-

40 27 30

3 5,9 % 7,7 % 10,3 % 13,6 %.

(CgA) CgA CgA CgA ( )

5 2 CgA , CgA , ( )

*Salmonella* *Campylobacter*, *Clostridium difficile*.

- (98 1 11 ) 2 ( ), 80

4 ( , ).

- (52 <1 ) 10 .

0,5 / 1 10 .

1-11 , , < 4,0. 0,5 / 1,0 / <1

( < 1 17 ), , 61 %

ECL-

CYP2C19,  
CYP3A4,

450 (CYP).

0,22 /

97 %

17 /  
1,3

CYP2C19  
9 /  
1

AUC

AUC

CYP2C19

/

1

40  
max

( max)

13,6 /

4,6 /

(

30 %) AUC

AUC

( 4 / 8 / )

30 ( 40 , 80 120 )  
23,5

80 %

, - 1 %

2,9 ±1,5 %

CYP2C19

CYP3A4.

40 1  
CYP2C19 (

100 %

60 %.

). max

40  
1 AUC

30 % ,

AUC

20

80

4 /  
1

71,5

(71-80 ).

4 . 59 0 18 ,50 (7 1 5 ) 1  
 1 3  
 30 1 ( ) 20  
 ( ss, max)  
 5 20 — 7 40  
 20 .

		AUC ( * / )	ss, max ( / )
0-1 *	0,5 / (n = 6)	7,5 (4,5-20,5)	3,7 (2,7-5,8)
1-11 *	1,0 / (n = 6)	10,5 (4,5-22,5)	8,7 (4,5-14,0)
1-5	10 (n = 7)	7,9 (2,9-16,6)	9,4 (4,4-17,2)
6-11	10 (n = 8)	6,9 (3,5-10,9)	5,6 (3,1-13,2)
	20 (n = 8)	14,4 (7,2-42,3)	8,8 (3,4-29,4)
	20 (n = 6)**	10,1 (7,2-13,7)	8,1 (3,4-29,4)
12-17	20 (n = 6)	8,1 (4,7-15,9)	7,1 (4,8-9,0)
	40 (n = 8)	17,6 (13,1-19,8)	10,5 (7,8-14,2)
	20 (n = 22)	5,1 (1,5-11,8)	3,9 (1,5-6,7)
	40 (n = 41)	12,6 (4,8-21,7)	8,5 (5,4-17,9)

\* < 44 0 1 ( ) 32

\*\* CYP3A4. CYP2C19, — ,

ss, max 10- , 20- 30- ss, max  
 37-49 %, 54-66 % 61-72 %

3-

- ( ) / ;  
 - , , ( );  
 - , , , .  
 •

1 18

• , / :  
 .  
 , ( «  
 »).

CYP2C19.

(40 1 ) 300 / 100  
 ( AUC, C<sub>max</sub> C<sub>min</sub> 75 %). 400  
 (20 ) 400 / 100  
 30 % , 300  
 / 100 1 ) (40 )  
 AUC, C<sub>max</sub> C<sub>min</sub> 36–39 %, AUC, C<sub>max</sub> C<sub>min</sub> 8 75–92 %.  
 ( 40 ) ( 20 )  
 ) ( 40 ). 20 ( 80–100 % )  
 ) ( 40 ) ( )

, ( ),

10 % ( 30 % )

(20 )

*CYP2C19*

CYP2C19 -  
CYP2C19,

*in vivo*

(80 + 8 / )

CYP2C19,

3-

30

CYP2C19

45 %.

40

13 %.

(40 1 )

$C_{max}$  AUC

( CYP2C19) 15 % 41 %

CYP2C19.

$C_{max}$  AUC

18 % 26 %,

- 29 % 69 %

40

( $t_{1/2}$ ) - 31 %, 40

$C_{max}$

AUC 32 %,

Q c,

40

( )

( )/  
40

( )

(

- 300 /

75

40 %

( )

14 %.

( ) (20 + 81 )  
40 %.

( )

/

CYP2C19 CYP3 4.  
AUC

CYP2C19 CYP3 4

CYP3 4

CYP2C19  
AUC

(500 2  
CYP3 4  
280 %.

*CYP2C19* / *CYP3A4*  
)

CYP2C19 CYP3 4

( ,

,

,

,

)

*Salmonella* *C mpylobacter* ( .

« »).

12

12 ( )

( , ),  
10-40 %.

---

(>1 ),

D

»).

400

100

CYP2C19.

CYP2C19.

»).

CgA

CgA.

CgA

14

1

/

( 300 1000 )



\_\_\_\_\_

\_\_\_\_\_

(72 30 ) .

\_\_\_\_\_

$\frac{40}{5}$   
 $\frac{20}{2,5}$

( ) ( ) ( . « »).

40 1

20 1

20-40 1

20 1

20

80

8 /

3

(«

(8 / )

3

(8 / )

3

40  
20  
80  
8 /

10-30 .

10-30 .

30 .

71,5 (

8 / .

( . « »).

20 ( . « »).

4 /

71,5

( . « »).

1-18

( , 2).

1

2

1-11	$<20 : 10$ 1 $20 : 10$ 20 1	10 1

\_\_\_\_\_ )»).

40  
5 (8 / )

20  
2,5 (8 / )

10  
1,25 (8 / )

40

20

10

\_\_\_\_\_ , 40  
, (8 / ), 5 0,9 %

\_\_\_\_\_ 40  
, 40 100 0,9 %

\_\_\_\_\_ 80  
, 40 100 0,9 %

),

(

( 1/10);

( 1/100 - <1/10);

( 1/1000 - <1/100);

( 1/10000 - <1/1000);

(<1/10000);

(

).

		,
		,
		,
		/
		( . )
		« . »);
		,
		,
		,
		,

		， ，
		， ’ / ’ ，
		( )
		， -
		，
		，
		*
		， ’ ， ，
		，
		- ，
		( . « »)
- ’		( . « ’ »)
		，
		，

		(
		)
		,

\*

3 (72 ).

( ) , .

,

( )

57 4 (8 1-5 ).

0 18 ( . « »).

.2 .

25°

« ».

1 10

, , , ,174101, .